

APELLIDOS Y NOMBRE	Gil Ligero, Juan
Categoría académica/Nivel contractual, Dedicación	Catedrático de Universidad, Tiempo completo
Titulación académica (año de obtención)	Doctor en Biología (1986)
Experiencia investigadora reciente	<p><u>Líneas de investigación</u> Mejora genética vegetal en garbanzo y espárrago</p> <p><u>Proyectos de investigación (últimos 5 años)</u></p> <p>1. TÍTULO: Aplicación de nuevas herramientas biotecnológicas en la mejora del espárrago (AGL2014-57575-R) ENTIDAD FINANCIADORA: MINISTERIO DE ECONOMÍA Y COMPETITIVIDAD (175.450 €) DURACIÓN: 2015-2018</p> <p>2. TÍTULO: Contribución a la mejora del espárrago mediante el uso de técnicas clásicas y biotecnológicas (AGL2011-23953) ENTIDAD FINANCIADORA: MINISTERIO DE CIENCIA E INNOVACIÓN (121.000 €) DURACIÓN: 2012-2014</p> <p>3. TÍTULO: Puesta en marcha de una acción de cooperación interinstitucional (UCO/INRAT) para el fortalecimiento de programas de mejora de leguminosas en una agricultura sostenible (AP/042110/11) ENTIDAD FINANCIADORA: AECI (3680 euros) DURACION: 2011-2013</p> <p><u>Publicaciones más relevantes (hasta un máximo de 3)</u></p> <p>Díe J.V., Gil J., Millán T. (2018). Genome-wide identification of the auxin response factor gene family in <i>Cicer arietinum</i>. BMC Genomics (open acces). DOI 10.1186/s12864-018-4695-9.</p> <p>Ali L., Deokar A., Caballo C., Tar'an B., Gil J., Chen W., Millan T., Rubio J. (2016). Fine mapping for double podding gene in chickpea. Theor Appl Genet 129: 77-86. DOI 10.1007/s00122-015-2610-1.</p> <p>Varshney et al (31/36) (2013). Draft genome sequence of chickpea (<i>Cicer arietinum</i>) provides a resource for trait improvement. Nature Biotechnology. 31:240-248. doi:10.1038/nbt.2491.</p>